

HLS Extraction and Library Prep System



1 Stück

Artikel-Nr.: 340HLS0001 | Sage | Herstellernummer: HLS0001

Preis auf Anfrage

Beschreibung

Verpackung: 1 Stück

SageHLS HMW Library System

Die neue SageHLS-Plattform kann extrem große DNA-Fragmente direkt aus Bakterien- und Gewebekulturen, Blutproben oder anderen Zellquellen extrahieren und reinigen.

Extract: Zellsuspensionen werden auf eine Gelkassette geladen, um eine Lyse unter elektrophoretischen Bedingungen durchzuführen. Die intakte DNA bleibt im Well an die Agarose gebunden, degradierte und solubilisierete Proteine werden entfernt.

React: Enzymatische Spaltung der DNA in elektrophoretisch mobile Fragmente

Select: Automatisierte Größen-Auftrennung der Fragmente und Elution in 6 Fraktionen

Dadurch wird es möglich, optimale Informationen aus long-read und long-range Sequenzierungen zu generieren.

Applikationsbeispiel:

HLS-CATCH*: Purify genomic regions of interest using CRISPR/Cas9

*Cas9-assisted targeting of chromosome segments

Jiang et. al., 2015, [Nature Communications](https://doi.org/10.1038/ncomm9101), doi:10.1038/ncomm9101

Key Downstream Technologies

- optical mapping
- long read sequencing
- bar-coded linked reads

Weitere Informationen finden Sie unter <http://www.sagescience.com/products/sagehls/>