HLS Extraction and Library Prep System



1 Stück
Artikel-Nr.: 340HLS0001 | Sage | Hersteller-Nr.: HLS0001

57.000,00 €*

*zzgl. MwSt. zzgl. Versandkosten

Beschreibung

Verpackung:1 Stück

SageHLS HMW Library System

Die neue SageHLS-Plattform kann extrem große DNA-Fragmente direkt aus Bakterien- und Gewebekulturen, Blutproben oder anderen Zellquellen extrahieren und reinigen.

Extract: Zellsuspensionen werden auf eine Gelkassette geladen, um eine Lyse unter elektrophoretischen Bedingungen durchzuführen. Die intakte DNA bleibt im Well an die Agarose gebunden, degradierte und solubilisierte Proteine werden entfernt.

React: Enzymatische Spaltung der DNA in elektrophoretisch mobile Fragmente

Select: Automatisierte Größen-Auftrennung der Fragmente und Elution in 6 Fraktionen

Dadurch wird es möglich, optimale Informationen aus long-read und long-range Sequenzierungen zu generieren.

Applikationsbeispiel:
HLS-CATCH*: Purify genomic regions of interest using CRISPR/Cas9
*Cas9-assisted targeting of chromosome segments
Jiang et. al., 2015, Nature Communications, doi:10.1038/ncomm9101

Key Downstream Technologies

Telefon: +49 (0) 51 52 / 90 20
Telefax: +49 (0) 51 52 / 20 70
E-Mail: support@biozym.com
Internet: www.biozym.com

Rechtliches
Registergericht: Amtsgericht Hannover
Registernummer: HRB 101682
UST-ID: DE 813739502

Biozym Scientific GmbH
Geschäftsführer
Dr. Sebastian Petri

- optical mapping
- long read sequencing
- bar-coded linked reads

Weitere Informationen finden Sie unter http://www.sagescience.com/products/sagehls/

Telefon: +49 (0) 51 52 / 90 20
Telefax: +49 (0) 51 52 / 20 70
E-Mail: support@biozym.com
Internet: www.biozym.com

Rechtliches
Registergericht: Amtsgericht Hannover
Registernummer: HRB 101682
UST-ID: DE 813739502

Biozym Scientific GmbH
Geschäftsführer
Dr. Sebastian Petri